



UNIVERSIDAD DE CÓRDOBA



FACULTAD DE VETERINARIA

NOMBRE Y APELLIDOS:	LUIS MORERA SANZ		
CATEGORÍA PROFESIONAL:	PROFESOR TITULAR		
CARGO:	-----		
DEPARTAMENTO:	GENÉTICA		
ÁREA DE CONOCIMIENTO:	GENÉTICA		
TELÉFONO:	957218709	CORREO ELECTRÓNICO:	gm1mosal@uco.es
ORCID ID:	0000-0003-0845-7622		
RESEARCHERID:	K-2216-2014		

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Incluir un máximo de cinco líneas de investigación

Marcadores genéticos moleculares, genómica, proteómica y microbioma en porcino

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN

Incluir un máximo de cinco proyectos de investigación

ANÁLISIS DE LA INTERACCIÓN PATÓGENO-MICROBIOTA-HOSPEDADOR PARA ENTENDER LOS MECANISMOS DE COLONIZACIÓN Y PERSISTENCIA DE SALMONELLA EN EL INTESTINO PORCINO.

Código: AGL2017-87415-R

Ámbito del proyecto: Nacional

Entidad financiadora: Ministerio de Economía, Industria y Competitividad

Fecha inicio: 01/01/2018 **Fecha fin:** 31/12/2020

INTERACCIÓN PATÓGENO-HOSPEDADOR EN LA SALMONELOSIS PORCINA. MODULACIÓN DE LA RESPUESTA INMUNE INTESTINAL POR SALMONELLA Y MECANISMOS DE PERSISTENCIA.

Código: AGL2014-54089-R

Ámbito del proyecto: Nacional

Entidad financiadora: 80% Fondos FEDER // 20% Presupuestos Generales del Estado

Fecha inicio: 01/01/2015 **Fecha fin:** 31/12/2017

PUBLICACIONES/OTRAS ACTIVIDADES

Incluir un máximo de cinco publicaciones o actividades, de los últimos 5-10 años

Quantitative proteomics and bioinformatic analysis provide new insight into the dynamic response of porcine intestine to Salmonella Typhimurium. *Front. Cell. Infect. Microbiol.*, 2015. 5:64

Early Salmonella Typhimurium infection in pigs disrupts Microbiome composition and functionality principally at the ileum mucosa. *Nature Scientific Reports*. 2018. 8:7788.

Identification and functional characterization of polymorphisms in promoter sequences of porcine NOD1 and NOD2 genes. *Research in Veterinary Science*. 2019. 24: 310-316.

Comprehensive analysis of pig feces metabolome by chromatographic techniques coupled to mass spectrometry in high resolution mode: Influence of sample preparation on the identification coverage. *Talanta*. 2019. 199: 303-309.