

# FICHA CV PERFIL DEL PROFESORADO (R-PA02-3.b)



DATOS PERSONALES		
DATOS PERSONALES		
Nombre y Apellidos	Antonio Rodríguez Franco	FOTOGRAFÍA
Categoría Profesional	Catedrático	
Departamento	Bioquímica y Biología Molecular	
Área de Conocimiento	Bioquímica y Biología Molecular	
Correo electrónico	bb1rofra@uco.es	
Teléfono	638000485	
N° Quinquenios	6	
N° Sexenios (1)	5	
ORCID	0000-0002-0431-8273	

# **ACTIVIDAD DOCENTE**

Participación en Proyectos de Innovación Docente:

# Participación en DOCENTIA (último vigente):

Evaluación programa Docentia 2016.

# Otros méritos docentes (publicaciones docentes, edición de material docente, etc.):

- Página WEB de Bioinformática https://www.uco.es/users/bb1rofra/analisis
- Página WEB de Biología Molecular de Sistemas. <a href="https://www.uco.es/users/bb1rofra/BiologiaSistemas/">https://www.uco.es/users/bb1rofra/BiologiaSistemas/</a>

#### **ACTIVIDAD INVESTIGADORA**

# Líneas de investigación (máximo 3):

- Estudios de proteínas superficiales de neumococos para el desarrollo de vacunas
- Estudios metagenómicos del Kefir
- Estudios transcriptómicos de ratones transgénicos portando el citocromo B5

# Publicaciones científicas (máximo 5 aportaciones en los 6 últimos años):

- Azacytidine arrests ripening in cultivated strawberry (*Fragaria x ananassa*) by repressing key genes and altering hormone contents. <a href="https://doi.org/10.1186/s12870-022-03670-1">https://doi.org/10.1186/s12870-022-03670-1</a>
- Metatranscriptomic dynamics after Verticillium dahliae infection and root damage in Olea europaea. https://doi.org/10.1186/s12870-019-2185-0
- An atypical HLH transcriptional regulator plays a novel and important role in strawberry ripened receptacle. https://doi.org/10.1186/s12870-019-2092-4
- Comparative exoproteome analysis of Strptococcus suis human isolates. https://doi.org/10.3390/microorganisms9061287
- Search of potential vaccine candidates against Trueperella pyogenes infections through protemic and bioinformatic analysis. https://doi:10.3390/vaccines8020314

Otros méritos de investigación (participación en proyectos de investigación, proyectos con empresas, ponencias en congresos, etc. Máximo 5 aportaciones):

- Aplicaciones Biotecnologías del sistema CRISPR-CAS9 a genes reguladores y mecanismos epigeneticos de la maduración del fruto de fresa. AGL2017-86531-C2-2-R. 2018-2020. Investigador principal 2
- Identificación y caracterización funcional de factores de transcripción y proteínas reguladoras de la calidad del fruto de fresa. Estudios de regulación epigenética de la maduración de la fruta de la fresa. AGL2014-55784-C2-2-R. 2015-2017. Investigador principal 2.
- Caracterización de promotores de genes específicos de fruto de fresa como herramienta biotecnológica en programas de mejora. 1256148-R. 2020-2021. Investigador
- Eco-herbicidas de precision para cultivos leñosos. Aplicación al olivar. (ECOHEROLI). AGR-5822. 2011-2015. Investigador principal.
- Bases moleculares y diagnostico de la resistencia múltiple y cruzada herbicidas en malezas gramíneas.
   AGL2004-08357.C04-03. 2004-2007

# OTROS MÉRITOS (gestión académica, premios, difusión, etc):

Representante del estamento de becarios y ayudantes en la Junta de Gobierno de la Universidad

(1) Reconocidos por ANECA o su equivalente según los parámetros de valoración de la Comisión Nacional Evaluadora de la Actividad Investigadora (CNEAI) para la concesión de sexenios de actividad investigadora en los diferentes campos. Si son equivalentes deben estar indicados con un asterisco.